Especificação para lidar com subida de arquivos e registro de resultados.

Agora é hora de carregar os resultados.

Precisamos de um formulário para carregar um arquivo csv e fornecer dados adicionais.

o Arquivo "genotyping\_results029.csv" é um exemplo de um arquivo que o usuário vai subir na plataforma.

O usuário vai informar no formulário de upload o que significa AJ e o que significa FH.

O usuário vai informar a qual empresa, projeto, placa1536 pertencem os resultados.

Deve-ser criar o registro do arquivo subido.

Automaticamente vamos usar dos dados do arquivo para criar os resultados, atualizando o modelo resultados.

No arquivo enviado as informações tabulares estão a partir da linha que contém esta expressão: "DaughterPlate MasterPlate MasterWell Call X Y SNPID SubjectID" Pode desconsiderar as linhas anteriores.

Teremos as colunas

DaughterPlate

MasterPlate

MasterWell

Call

X

Y

SNPID

SubjectID

A partir da coluna Daughter identificar se é FH ou AJ e usar esta informação para preencher os próximos campos.

Com base na placa 1536 informada e na coluna MasterWell, buscar o número da amostra, no modelo poços 1536.

Usar este número de amostra como foreinkey.

Preencher os demais campos preenchendo os campos fh ou os campos aj conforme o caso.

Uma amostra não pode aparecer duas vezes no modelo resultados.

Uma amostra pode ter apenas um resultado ou AJ ou FH.   
Resultados FH e AJ são obtidos da coluna CALL do arquivo. X e Y seguem a mesma logica.

Salvando

arquivo = models.ForeignKey(UploadResultado, on\_delete=models.CASCADE) # foi obtido do arquivo que foi subido pelo usuário.

amostra = models.ForeignKey(Amostra, on\_delete=models.CASCADE) # foi obtida através do código da placa 1536, +informação do poço na coluna MasterWell, buscando a amostra no modelo poço 1536.

fh = models.CharField(max\_length=20, null=True, blank=True, help\_text="Informe aqui qual marcador usado na sonda FH") # deve-se salvar com a informação fornecida pelo usuário no formulário de upload do arquivo.

aj = models.CharField(max\_length=20, null=True, blank=True, help\_text="Informe aqui qual marcador usado na sonda AJ") # deve-ser salcar com a informação fornecida pelo usuário no formulário de upload de arquivo.

resultado\_fh = models.CharField(max\_length=10, null=True, blank=True) #– usar coluna Call # se a linha for FH deve-se se salvar para aquela placa, amostra, poço, a informação da coluna Call fh.

resultado\_aj = models.CharField(max\_length=20, null=True, blank=True) #– usar coluna Call # se a linha for AJ deve-se salvar para aquela placa, amostra, poço, a informação da coluna Call aj.

x\_fh = models.FloatField() # se for uma ilnha FH salvar a informação de X

y\_fh = models.FloatField() # se for um linha FH salvar a informação de Y

x\_aj = models.FloatField() # se for uma linha AJ salvar a informação de X

y\_aj = models.FloatField() # se for uma linha AJ salvar a informação de Y

Ao final devemos ter algo como:

Arquivo que foi subido.

A amostra a que se refere o resultado

O nome da analise FH

O nome da analise AJ

O resultado da análise FH

O resultado da análise AJ

O valor de x da análise FH

O valor de y da análise FH

O valor de x da análise AJ

O valor de y da análise AJ